

Conjuntos de datos obtenidos de ejecutar el simulador H-Outbreak (<https://github.com/denissekim/Simulation-Model>).

Explicación del contenido de **movements.csv**:

Cada fila tiene la información referente a un step (periodo de tiempo de 8 horas). Entonces en cada fila se almacenan los ids de los pacientes que hay en el hospital en ese step, su estado de salud, el id del lugar donde se encuentran, un booleano indicando si el lugar está contaminado o no, y los ids de los lugares del hospital que se han limpiado y desinfectado después de la referencia "places". El estado de salud que los pacientes pueden tener tiene los siguientes valores: 0 (susceptible), 1 (expuesto, incubando), 2 (infectado, contagioso), 3 (recuperado), 4 (fallecido), 5 (no susceptible, immune).

Step | paciente_1 | paciente_1_estado | paciente_1_localización |
paciente_1_localización_contaminado | paciente_2 | paciente_2_estado |
paciente_2_localización | paciente_2_localización_contaminado | ... | paciente_n |
paciente_n_estado | paciente_n_localización | paciente_n_localización_contaminado |
places | lugar_desinfectado_1 | lugar_desinfectado_2 | ... | lugar_desinfectado_m

Explicación del contenido de **patients.csv**:

Contiene la información de todos los pacientes que pasaron por el hospital. Cada fila tiene un paciente con los datos en el siguiente orden: ID del paciente, edad, género, duración estimada de estancia en días, tiempo de incubación de la infección en horas, duración de la infección en steps (periodos de 8 horas), duración del tratamiento en días, antibiótico utilizado, microorganismo que infectó al paciente, día de admisión al hospital, último día en el hospital, booleano indicando si el paciente ha fallecido o no, duración de estancia final en días, booleano indicado si el paciente está colonizado, y booleano indicando si el paciente es immune.